XXXIV Неделя науки СПбГПУ. Материалы межвузовской научно-технической конференции. Ч.IV: С.30, 2006. © Санкт-Петербургский государственный политехнический университет, 2006.

УДК 577.616

А.В.Швецов (3 курс, каф. ЭФ), А.А.Кульминская, к.х.н., с.н.с. (ПИЯФ РАН)

ИССЛЕДОВАНИЕ РЕАКЦИИ ТРАНСГЛИКОЗИЛИРОВАНИЯ МЕТОДАМИ КОМПЬЮТЕРНОГО МОДЕЛИРОВАНИЯ

Гликозидгидролазы — ферменты, способные расщеплять гликозидную связь. Многие гликозидгидролазы, помимо гидролитической активности, обладают ещё и трансгликозилирующей активностью. В процессе трансгликозилирования углеводный остаток присоединяется не к молекуле воды, как в случае гидролиза, а к другой молекуле, содержащей гидроксил (углевод, спирт и т.д.), которая выступает в качестве акцептора гликозидной связи. При помощи реакции трансгликозилирования могут быть получены различные вещества со строго определённой аномерной конфигурацией, определяемой специфичностью фермента.

В представленной работе методами компьютерного моделирования удалось определить позицию связывания молекулы акцептора, а именно п-нитрофенил- β -D-галактопиранозида, в активном центре β -галактозидазы (EC 3.2.1.23) из *Penicillium* sp. [1] (фермента, гидролизующего β 1 \rightarrow 4-гликозидную связь). Расчёты были проведены с использованием кристаллографической модели комплекса β -галактозидазы с природным ингибитором, D-галактозой. Результаты компьютерного моделирования [2-4] показали, что молекула акцептора ориентирована таким образом, что 6-ой гидроксил галактопиранозида находится рядом с аномерным атомом связанной D-галактозы. Таким образом, полученная модель хорошо согласуется с данными кинетических экспериментов и объясняет преимущественное образование β 1 \rightarrow 6 гликозидной связи в продуктах трансгликозилирования.

Результаты моделирования могут быть использованы для модификации фермента методами сайт-направленного мутагенеза с целью усиления трансгликозилирующей активности β-галактозидазы.

ЛИТЕРАТУРА:

- 1. Rojas A.L., Nagem R.A.P., Neustroev K.N., Arand M., Adamska M., Eneyskaya E.V., Kulminskaya A.A., Garratt R.C., Golubev A.M., Polikarpov I. J.Mol.Biol. 343 pp. 1281 (2004).
- 2. Morris G.M., Goodsell D.S., Halliday R.S., Huey R., Hart W.E., Belew R.K. and Olson A.J. (1998), J. Computational Chemistry , 19 : 1639-1662.
- 3. P.J.Kraulis, J. Appl. Cryst. (1991) vol 24, pp. 946-950.
- 4. Merritt & Bacon (1997) Meth. Enzymol. 277, 505-524.